lipoprotein (CDS_0041)
tail fiber protein (CDS_0044)
pre-neck appendage protein (CDS_0053)
metallo-endopeptidase (CDS_0055)
replication initiation protein (CDS_0064)
uvig_160874 27804:49994(+)
metallo-endopeptidase (CDS_0052)
uvig_78304 27394:46073(+)
uvig_168911 27006:41482(+)
ATPase (CDS_0056)
uvig_136007 28143:41756(+)
IMGVR_UViG_3300045988_170591|3300045988|Ga0495776_174224 85020:94411(+)
MGV-GENOME-0373155 25990:37313(+)
MGV-GENOME-0374868 25717:34462(+)
MGV-GENOME-0375676 27075:35788(+)
IMGVR_UViG_3300045988_168288|3300045988|Ga0495776_176324 83347:93865(+)
IMGVR_UViG_3300045988_160393|3300045988|Ga0495776_073255 89243:98134(+)
IMGVR_UViG_3300045988_155085|3300045988|Ga0495776_009802 25241:35879(+)
IMGVR_UViG_3300045988_161734|3300045988|Ga0495776_176344 26234:35163(+)
MGV-GENOME-0374388 81788:90462(+)
uvig_464047 35588:45917(-)
IMGVR_UViG_3300045988_156340|3300045988|Ga0495776_011046 85992:96455(+)
uvig_188066 35050:43726(-)
IMGVR_UViG_3300045988_164633|3300045988|Ga0495776_009592 89711:98653(+)
HNH endonuclease (CDS_0099)
MGV-GENOME-0375116 91200:103271(+)
MGV-GENOME-0374180 77408:86029(+)
IMGVR_UViG_3300045988_168175|3300045988|Ga0495776_089092 25937:34430(+)
MGV-GENOME-0374108 80858:89797(+)
MGV-GENOME-0365622 25304:35487(+)
IMGVR_UViG_3300045988_161914|3300045988|Ga0495776_011036 26519:36722(+)
IMGVR_UViG_3300014782_000002|3300014782|Ga0134389_1000035 25928:34461(+)
IMGVR_UViG_3300029249_000119|3300029249|Ga0168690_1000089 26977:35730(+)
IMGVR_UViG_3300045988_152970|3300045988|Ga0495776_122645 86120:96737(+)
IMGVR_UViG_3300045988_161465|3300045988|Ga0495776_088938 85653:95837(+)
MGV-GENOME-0374721 27362:35870(+)
MGV-GENOME-0374177 23881:32830(+)
MGV-GENOME-0373376 68840:77335(+)
uvig_311177 25306:33986(+)
MGV-GENOME-0375143 89424:98205(+)
MGV-GENOME-0375272 26067:36039(+)
MGV-GENOME-0374639 86759:95276(+)
MGV-GENOME-0374931 89112:97943(+)
IMGVR_UViG_3300045988_167908|3300045988|Ga0495776_110477 26094:36724(+)
IMGVR_UViG_3300045988_163937|3300045988|Ga0495776_073188 27257:37579(+)
MGV-GENOME-0362302 40155:48815(+)
MGV-GENOME-0375199 85717:95908(+)
IMGVR_UViG_3300045988_164215|3300045988|Ga0495776_122631 91067:101565(+)
uvig_156727 55661:64132(+)
MGV-GENOME-0375059 85061:95652(+)
IMGVR_UViG_3300045988_153205|3300045988|Ga0495776_089136 25126:35314(+)
MGV-GENOME-0374144 23619:32605(+)
IMGVR_UViG_3300029257_000001|3300029257|Ga0168675_100096 89871:97943(+)
MGV-GENOME-0374797 25909:35555(+)
IMGVR_UViG_3300045988_163113|3300045988|Ga0495776_110520 28303:37561(+)
MGV-GENOME-0374877 26495:35712(+)
MGV-GENOME-0375028 82040:92915(+)
uvig_171809 27701:37304(+)
uvig_421092 4391:12027(-)
uvig_593898 25127:33000(+)
uvig_487510 26094:33885(+)
uvig_501806 26608:35875(+)
uvig_109340 27476:34954(+)
uvig_195612 29109:38857(+)
uvig_594541 25744:37450(+)
uvig_160804 25041:33121(+)
transposase (CDS_0041)DNA methyltransferase (CDS_0042)
uvig_584602 25205:37423(+)
HNH endonuclease (CDS_0085)
MGV-GENOME-0373199 70702:82234(+)
8000 nt
DNA, RNA and nucleotide metabolism
connector
integration and excision
other
tail
transcription regulation
unknown function